

Этническое происхождение по мужской линии

ГЕНЕТИЧЕСКИЙ ТЕСТ



Лаборатория
«Геномед»

Лицензия № ЛО-77-01-019459 от 22 января 2020 г.

8 (800) 333-45-38 | callcenter@genomed.ru



КРАТКИЕ РЕЗУЛЬТАТЫ

Исследуемый:

Петров Павел Михайлович

Исследуемый материал:

Соскоб буккального эпителия (ротовой мазок)

Выделенная гаплогруппа:

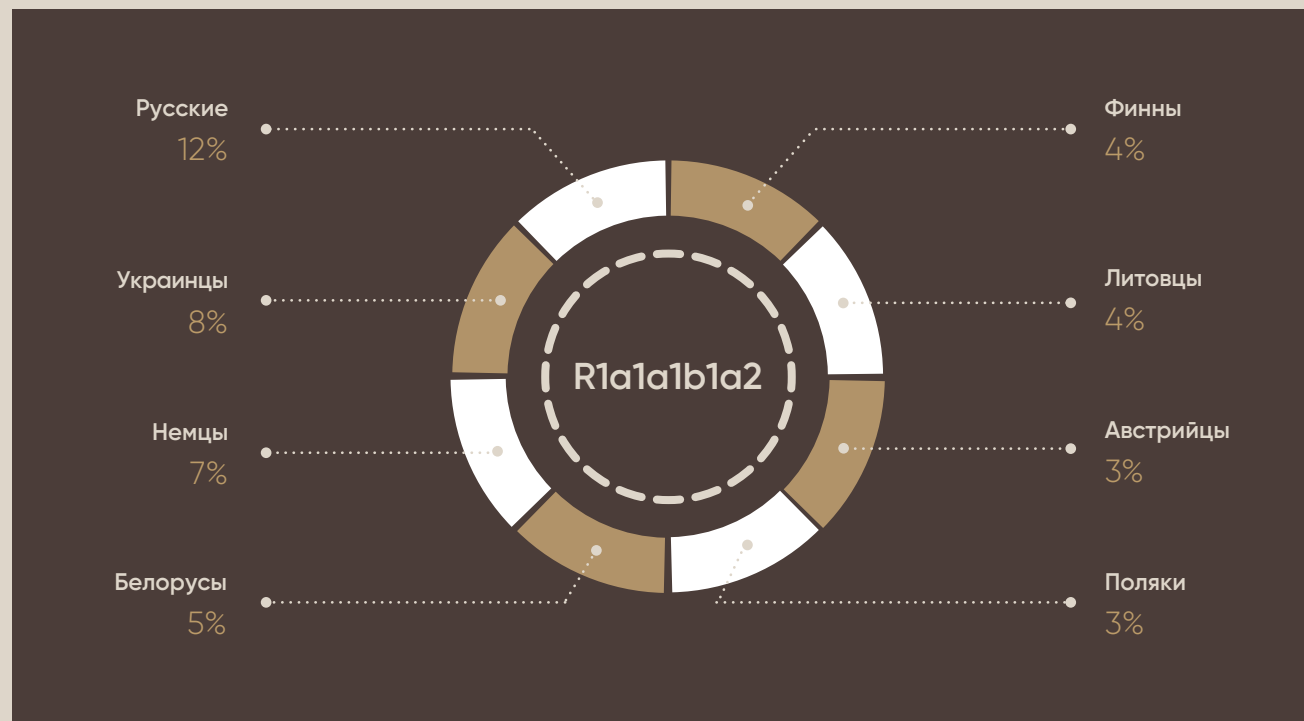
R1a1a1b1a2

Выделенная мутация по Y хромосоме:

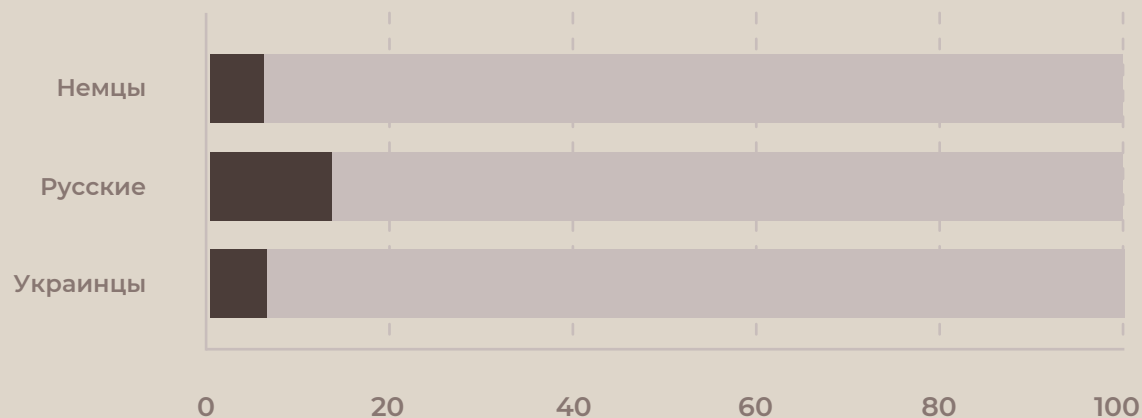
Z280

Основная расовая принадлежность:

Европейская



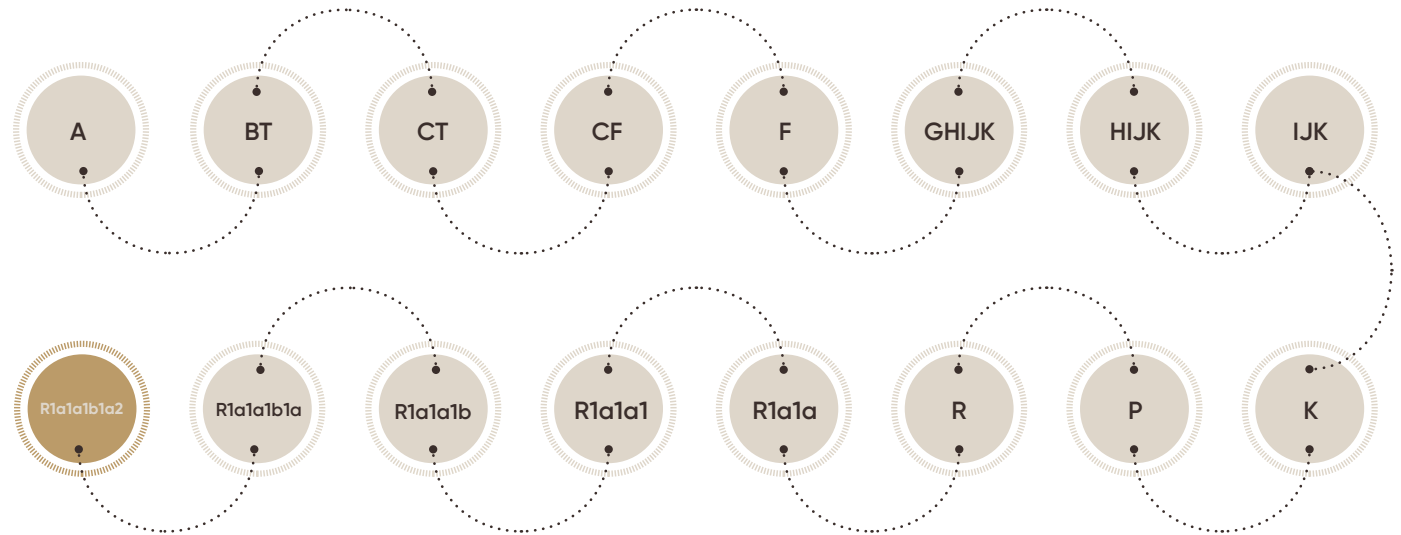
Распространение носителей гаплогруппы в рамках этноса



ВОЗНИКНОВЕНИЕ ГАПЛОГРУППЫ R1a1a1b1a2

Время возникновения:
4500 лет назад

Место возникновения:
Восточная Европа



Y-хромосомный Адам — понятие из археогенетики, обозначающее наиболее близкого общего предка всех ныне живущих людей по мужской линии. Это имя не обозначает одного конкретного человека, так как генетические исследования постоянно меняют оценки жизни ближайшего общего предка.

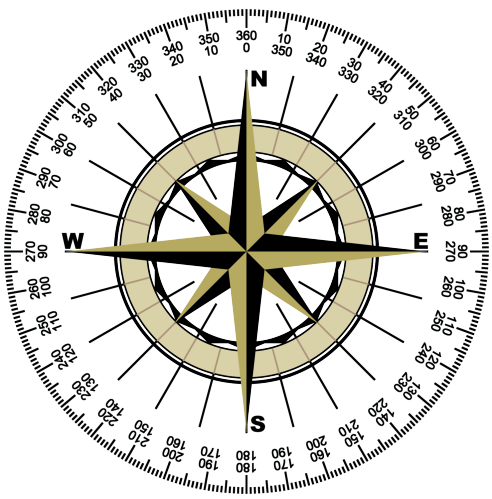
Y-хромосомный Адам аллегорически назван в честь библейского Адама, но он не был первым или единственным мужчиной своего времени. Y-хромосома человека является половой хромосомой, передающейся исключительно от отца к сыну, и от Y-хромосомы «Адама» должны происходить Y-хромосомы всех сегодняшних мужчин. Современники Y-хромосомного Адама и жившие до него мужчины имели другую Y-хромосому, однако их род по мужской линии со временем был оборван, и таким образом, потомки Y-хромосомного Адама по мужской линии со временем вытеснили из популяции людей другие Y-хромосомные гаплогруппы.

Приблизительное время существования Y-хромосомного Адама определяется методом молекулярных часов: зная количество оснований в хромосоме и частоту их мутаций, можно определить, сколько прошло времени с момента появления хромосомы. Y-хромосома имеет маленькую длину и низкую частоту мутаций. Это замедляет идентификацию полиморфизма хромосомы и, как следствие, снижает точность оценки частоты мутации Y-хромосомы.



ИНФОРМАЦИЯ О ПОЛУЧЕННОЙ ГАПЛОГРУППЕ

ВРЕМЯ И МЕСТО ПРОИСХОЖДЕНИЯ



Гаплогруппа R1a1a1b1a2 изучена на данный момент достаточно хорошо. Она равномерно распространена от Восточно-Европейской равнины до Малой Азии и Балкан на юге, Британских островов на западе и Швеции на севере, затрагивая практически всю Европу и часть Азии. Количество носителей гаплогруппы R1a1a1b1a2 не превышает 12% от общего числа граждан той или иной страны, где эта гаплогруппа была обнаружена.

Возникнув вероятно в Восточной Европе, во времена Бронзового века гаплогруппа R1a1a1b1a2 распространялась повсеместно по Европейскому субконтиненту. По прошествии многих лет потомки ее первых носителей встречаются во всех частях Европы, а также в Западной Азии. Известны археологические материалы в Приуралье и Германии.



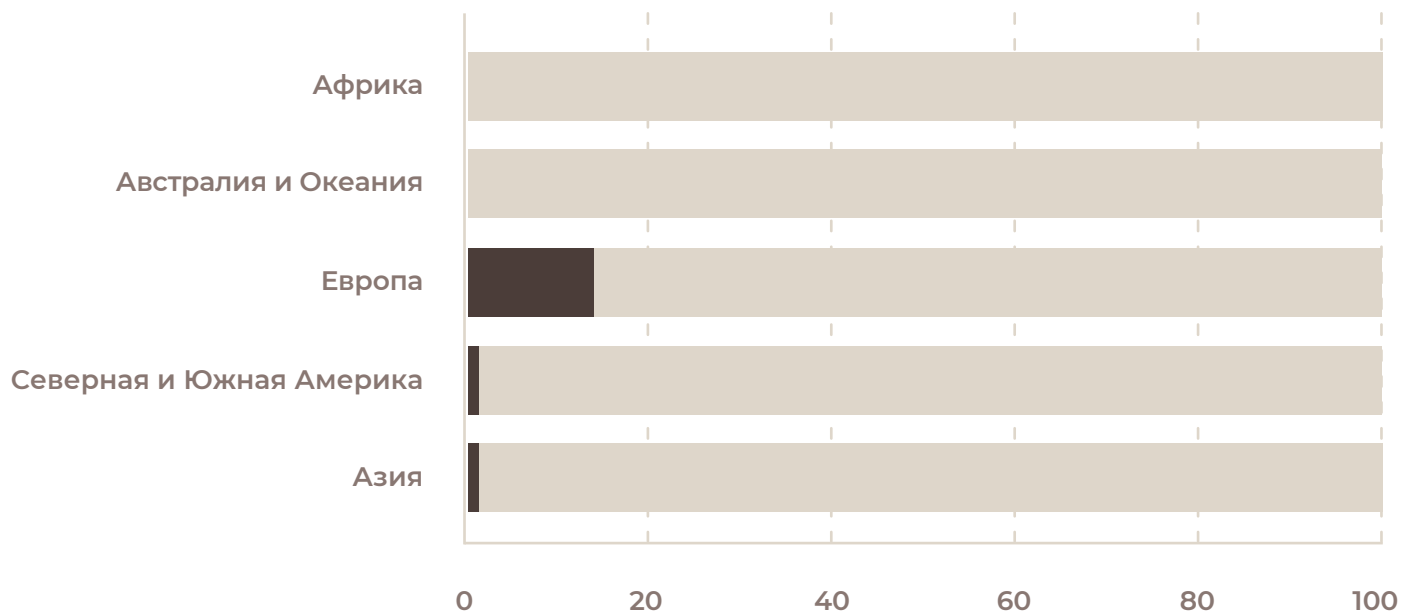
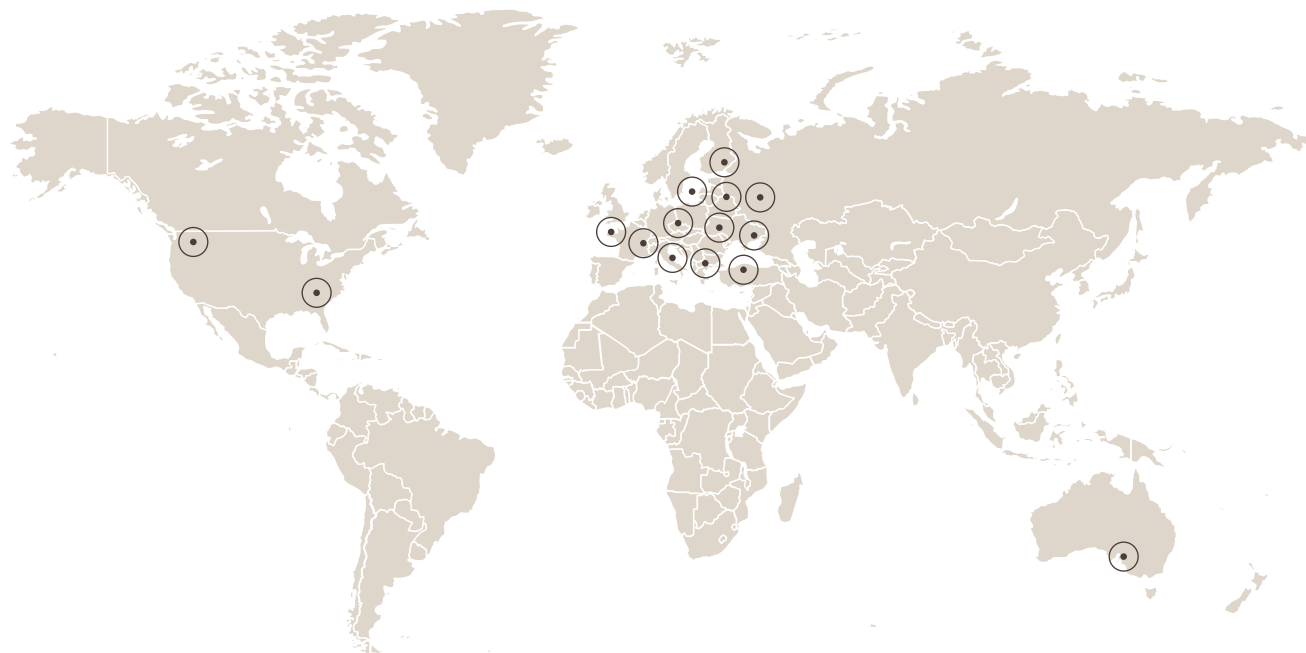
**СХЕМАТИЧНАЯ ИЛЛЮСТРАЦИЯ ЧЕЛОВЕЧЕСКИХ МИГРАЦИЙ
С ГАПЛОГРУППОЙ R1a1a1b1a2**



ГЕОГРАФИЯ ИССЛЕДОВАНИЯ ДРЕВНИХ ЗАХОРОНЕНИЙ

РАСПРОСТРАНЕНИЕ В НАСТОЯЩЕЕ ВРЕМЯ

Более компактное распространение может говорить об общности происхождения людей в конкретных регионах и стабильном существовании популяций, а более рассеяное распространение — об активных миграциях и/или драматических событиях в истории



СЛОВАРЬ ТЕРМИНОВ

Исследовать ДНК можно в разрезе STR и SNP маркеров. В нашей базе уже более 2000 образцов ДНК как по Y хромосоме, так и по Митохондриальной ДНК. Мы разработали специальную технологию сравнения которая позволит найти Ваших ближайших родственников не выходя из дома. При STR исследовании мы видим, что 50 % ДНК мы получили от отца и 50% от матери, они, в свою очередь унаследовали их от бабушек и дедушек. Таким образом двоюродное родство даст не более 12.5% повторов.

Исследование по SNP маркерам - покажет родство не ближе чем, трех-четырёхуродное, но покажет, даже если Вы имели общих предков более 2000 лет назад.

Исследование по STR маркерам - покажет родство не дальше 2 юродного, но покажет Ваших ближайших родственников (до 10 поколения).

Гаплогруппа — группа схожих гаплотипов, имеющих общего предка, у которого произошла мутация, унаследованная всеми потомками (обычно — однонуклеотидный полиморфизм). Термин «гаплогруппа» широко применяется в популяционной генетике и генетической генеалогии — науке, изучающей генетическую историю человечества, с помощью исследования гаплогрупп Y-хромосомы (Y-ДНК), митохондриальной ДНК (мтДНК) и ГКГ-гаплогруппы. Генетические маркеры Y-ДНК передаются с Y-хромосомой исключительно по отцовской линии (то есть от отца сыновьям), а маркеры мтДНК — по материнской линии (от матери всем детям). Таким образом, мужчины являются носителями маркеров Y-ДНК и мтДНК, а женщины — только мтДНК. Гаплотипы по аутосомным маркерам представлены и у мужчин и у женщин.

ДНК — (Дезоксирибонуклеиновая кислота) макромолекула (одна из трёх основных, две другие — РНК и белки), обеспечивающая хранение, передачу из поколения в поколение и реализацию генетической программы развития и функционирования живых организмов. Молекула ДНК хранит биологическую информацию в виде генетического кода, состоящего из последовательности нуклеотидов ДНК содержит информацию о структуре различных видов РНК и белков.

Y-хромосома — одна из двух половых хромосом в системе хромосомного определения пола XY, которая встречается у многих животных, большинства млекопитающих, в том числе человека. Содержит ген SRY, определяющий мужской пол организма, а также гены, необходимые для нормального формирования сперматозоидов. Мутации в гене SRY могут привести к формированию

женского организма с генотипом XY (синдром Свайера). Y-хромосома человека состоит из более чем 59 миллионов пар нуклеотидов.

Митохондриальная ДНК (мтДНК) — ДНК, находящаяся (в отличие от ядерной ДНК) в митохондриях, органоидах эукариотических клеток. Гены, закодированные в митохондриальной ДНК, относятся к группе плазматических, расположенных вне ядра (вне хромосомы). Совокупность этих факторов наследственности, сосредоточенных в цитоплазме клетки, составляет плазмид данного вида организмов (в отличие от генома).

Этногеномика — раздел генетики, изучающий этническое разнообразие людей на основе реконструкции их генетической истории

Археологическая культура — совокупность материальных памятников, которые относятся к одной территории и эпохе и имеют общие черты.